

Zitzenzahl

Bovo *et al.*, 2021¹⁾ identifizierten mittels genomweiter Assoziationsstudie (GWAS) und F_{ST} -Analyse mehrere genetische Marker, die mit der Anzahl der Zitzen bei *Oryctolagus cuniculus* in Verbindung stehen könnten. Als Kandidatengene könnten z.B. die folgenden angesehen werden: NUDT2, ARL4A, AUTS2, NR6A1, JMJD1C, ZHX3 oder GHRH. Außerdem wiesen die Autoren auf einen möglichen, engen Zusammenhang zwischen der Zitzenzahl und der Wirbelzahl, bzw. der Körperlänge hin.

Szendró, Z., 2025²⁾ (Review)

3 0 489

¹⁾

Bovo, S., Schiavo, G., Utzeri, V. J., Ribani, A., Schiavitto, M., Buttazzoni, L., ... & Fontanesi, L. 2021. A genome-wide association study for the number of teats in European rabbits (*Oryctolagus cuniculus*) identifies several candidate genes affecting this trait. *Animal Genetics*, 52(2), 237-243.

²⁾

Szendró, Z. 2025. The teat number in rabbits: The possibility and benefits of selection for this trait. *Livestock Science*, 292, 105635.

From:

<http://www.wikikanin.de/> - Wikikanin

Permanent link:

<http://www.wikikanin.de/doku.php?id=genetik:zitzenzahl&rev=1754341517>

Last update: **2025/08/04 23:05**

